

UE 质粒小量制备试剂盒

本试剂盒采用改进的 SDS 碱裂解法，结合 DNA 制备膜选择性地吸附 DNA 的方法达到快速纯化质粒 DNA 的目的。适合于从 1-4 ml 细菌培养物中提取多至 20 µg 高纯的质粒 DNA,用于测序、体外转录与翻译、限制性内切酶消化、细菌转化等分子生物学实验。

一、试剂盒组成、贮存、稳定性

Cat.No.	UE-MN-P-10	UE-MN-P-50	UE-MN-P-250	UE-MN-P-500
Kit size	10 preps	50 preps	250 preps	500 preps
Miniprep column	10	50	250	500
2 ml Microfuge tube	10	50	250	500
1.5 ml Microfuge tube	10	50	250	---
RNase A	6 µl	30 µl	150 µl	300 µl
Buffer S1	3 ml	15 ml	75 ml	150 ml
Buffer S2	3 ml	15 ml	75 ml	150 ml
Buffer S3	5 ml	21 ml	105 ml	210 ml
Buffer W1	6 ml	28 ml	145 ml	280 ml
Buffer W2 concentrate	6 ml	24 ml	2×72 ml	2×120 ml
Eluent	1 ml	5 ml	25 ml	50 ml
Protocol manual	1	1	1	1

RNase A: 50 mg/ml,室温可贮存 6 个月，长期贮存于-20℃。

Buffer S1: 细菌悬浮液。加入 RNase A 后，混合均匀，4℃贮存。

Buffer S2: 细菌裂解液 (含 SDS/NaOH)，室温密封贮存。

Buffer S3: 中和液，室温密封贮存。

Buffer W1: 洗涤液，室温密封贮存。

Buffer W2 concentrate: 去盐液。使用前，按试剂瓶上指定的体积加入无水乙醇 (可用 100%乙醇或 95%乙醇)。混合均匀，室温密封贮存。

Eluent: 洗脱液，室温密封贮存。

二、注意事项

Buffer S2、Buffer S3 和 Buffer W1 含刺激性化合物，操作时要戴乳胶手套和眼镜，避免沾染皮肤、眼睛和衣服，谨防吸入口鼻。若沾染皮肤、眼睛时，要立即用大量清水或生理盐水冲洗，必要时寻求医疗咨询。

三、实验准备

- 第一次使用前，RNase A 全部加入 Buffer S1 中，4℃贮存。
- 准备无核酸和核酸酶污染的 Tip 头、离心管。
- 第一次使用前，Buffer W2 concentrate 中加入指定体积的无水乙醇。
- 使用前，检查 Buffer S2 是否出现沉淀，应于 37℃ 温浴加热溶解并冷却至室温后再使用。

四、操作步骤

- 取 1-4 ml 在 LB 培养基中培养过夜的菌液 (若使用丰富培养基，菌液体积应减半或更少)，12,000×g 离心 1 min,弃尽上清。
- 加 250 µl Buffer S1 悬浮细菌沉淀，悬浮需均匀，不应留有小的菌块。
*确认 Buffer S1 中已加入 RNase A。
- 加 250 µl Buffer S2, 温和并充分地上下翻转 4-6 次混合均匀使菌体充分裂解，直至形成透亮的溶液。此步骤不宜超过 5 min。
*Buffer S2 使用后应立即盖紧瓶盖，以免空气中的 CO₂ 中和 Buffer S2 中的 NaOH,降低溶菌效率。
*避免剧烈摇晃，否则将导致基因组 DNA 的污染。
*此步骤不宜超过 5 min。
- 加 350 µl Buffer S3, 温和并充分地上下翻转混合 6-8 次，12,000 ×g 离心 10 min。
*避免剧烈摇晃，否则将导致基因组 DNA 的污染。

步骤 5~7 可以选择负压法或离心法纯化质粒 DNA。

A. 负压法

- 将质粒 DNA 制备管插到负压装置的接口上。吸取步骤 4 中的离心上清并转移到制备管中，开启并调节负压至 -25-30 英寸汞柱，缓慢吸走管中溶液。
- 加 500 µl Buffer W1, 吸尽管中溶液。
- 加 700 µl Buffer W2,吸尽管中溶液；以同样的方法再用 700 µl Buffer W2 洗涤一次。

*确认在 Buffer W2 concentrate 中已按试剂瓶上的指定体积加入无水乙醇。

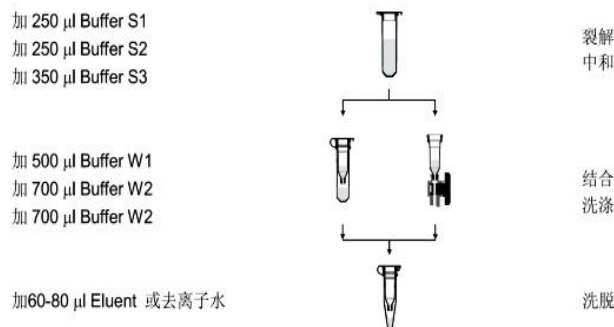
*两次使用 Buffer W2 冲洗能确保盐份被完全清除，消除对酶切反应的影响。

- 将制备管置于 2 ml 离心管 (试剂盒内提供)中，12,000×g 离心 1 min。

B. 离心法

- 吸取步骤 4 中的离心上清并转移到制备管 (置于 2 ml 离心管 (试剂盒内提供)中)，12,000×g 离心 1 min, 弃滤液。
- 将制备管置回离心管，加 500 µl Buffer W1,12,000×g 离心 1 min, 弃滤液。
- 将制备管置回离心管，加 700 µl Buffer W2,12,000×g 离心 1 min, 弃滤液；以同样的方法再用 700 µl Buffer W2 洗涤一次。弃滤液。
*确认在 Buffer W2 concentrate 中已按试剂瓶上的指定体积加入无水乙醇。
*两次使用 Buffer W2 冲洗能确保盐份被完全清除，消除对酶切反应的影响。
- 将制备管置回 2 ml 离心管中，12,000×g 离心 1 min。
- 将制备管移入新的 1.5 ml 离心管中，在制备管膜中央加 60-80 µl Eluent 或去离子水，室温静置 1 min。12,000×g 离心 1 min。
*将 Eluent 或去离子水加热至 65℃将提高洗脱效率。

五、流程图



六、常见问题分析

主要问题	原因	建议
得率低或纯化不到质粒	1.质粒丢失	在含有新鲜抗生素的平板上重新划甘油菌培养。若当前使用的是氨苄青霉素，可以考虑试用羧苄青霉素。如果有必要，可重新转化质粒或使用不同的宿主菌。
	2.细菌裂解不完全	将菌量减少为原先的一半（实际操作中可按实验情况相应调整）。
	1) 菌量过多	
	2) Buffer S2 过期	Buffer S2 中的 NaOH 被空气中的 CO ₂ 中和。使用完要立即拧紧瓶盖。
	3.细菌重悬不完全	在加入 Buffer S1 后注意观察细菌是否完全悬浮、是否有菌块残留。
DNA 纯度低	4.质粒过早的被洗脱	确保 Buffer W2 中已经加入正确体积的 95-100%无水乙醇。
	5.洗脱效率低	制备管在负压装置上抽干时间不宜过长。洗脱液或者去离子水 65°C 预热以及增加洗脱时间至 5 min 都可提高洗脱效率。
高纯度的质粒 A _{260/280} 比值通常在 1.7-1.9 之间。低于 1.7 考虑蛋白质污染，高于 1.9 考虑 RNA 污染。	1.A _{260/280} 比值过低 表现为琼脂糖凝胶电泳的背景底色亮和酶切效率低	
	1) 菌量过多 2) 加入 Buffer S1 后菌体未完全悬起 3) 加入 Buffer S2 后裂解不完全 4) 加入 Buffer S3 后中和不完全	
	2.A _{260/280} 比值过高 表现为电泳时会出现 RNA 条带	
	1) Buffer S1 中未加入 RNase A 2) Buffer S1 保存不当，或者已经过期，RNase A 活性下降 3) 菌量过多 4) 加入 Buffer S1 后菌体没有完全悬起 5) 加入 Buffer S2 后裂解不完全	
琼脂糖凝胶中质粒条带模糊 通常质粒条带模糊是由于降解影响，而此降解可能是宿主菌自身引起的，也可能是纯化过程中造成	1.使用 endA+ 宿主菌	尽量使用 endA- 宿主菌。 确保 Buffer W1 洗涤 1 次 不要超过 16 小时
	endA+ 是宿主菌中含有 endA 基因型，表达 Endonuclease I 内源核酸酶	
	部分 endA+ 宿主菌列表见下	
	BL21(DE3) MC1061	
	BMH71-18 NM522 (NM 系列宿主菌都是 EndA+)	
	CJ236 P2392	
	ES1301 PR700 (PR 系列宿主菌都是 EndA+)	
	HB101 Q358	
	JM83 RR1	
	JM101 TB1	
JM110 TG1		
LE392 Y1088 (Y10 系列宿主菌都是 EndA+)		
2.菌培养时间过长		

	3.存放/处理收集菌时间过长 4.存放收集菌的方式不对 5.加入 Buffer S2 后裂解不完全 6.加入 Buffer S3 后中和不完全	存放 3 个月以内 请于 -20°C 以下存放
琼脂糖凝胶电泳出现多个条带	正常质粒电泳会出现多条带。清晰的主带是质粒的超螺旋结构。在超螺旋主带的上方通常有 1-3 条电泳更慢的条带，一般认为是开环质粒和质粒二聚体（或者不同的交联形式）。偶尔也会有在超螺旋条带前面出现微弱的称为“不可逆变性质粒”条带，这个是碱裂解的副产品。大多数酶对这种质粒不起作用，包括限制性和测序的酶。如果在 S2 环境中时间过长，会使得不可逆变性的质粒含量增加。	Buffer S2 裂解不要超过 5 min.
琼脂糖凝胶电泳背景底色亮 细菌碎片、基因组和 RNA 污染都显现高亮电泳背景	1.培养时间过长，大量细菌死亡和产生大量菌体碎片 2.收集的细菌保存/处理时间过长 3.保存收集细菌的方法不对 4.菌量过多 5.加入 Buffer S2 后裂解不完全 6.加入 Buffer S3 后中和不完全	
基因 DNA 污染	1.培养时间过长，大量细菌死亡和产生大量菌体碎片 2.菌量过多 3.加入 Buffer S2 后震荡剧烈/裂解不完全/作用时间太长 4.加入 Buffer S3 后剧烈震荡/中和不完全	
RNA 污染 少量 RNA 污染对于一般实验来说是没有影响的。	参见“A _{260/280} 比值过高”	
DNA 酶切效果不好 酶切效果不好可能是有抑制剂的污染（比如盐和乙醇）或者质粒修饰。偶尔，质粒在传代几次后会产生缺失。在排除其他原因的情况下，要通过测序才能确定。	1.盐污染 2.乙醇污染 3.Buffer S2 作用时间过长 4.核酸酶污染引起的质粒降解 5.质粒序列缺失	确保用 Buffer W2 洗涤 2 次。 在最后一次 Buffer W2 洗涤后可将制备管离心时间由原来 1 min 增加至 2 min。